

Badania wykonywane na materiale z blozków parafinowych w Pracowni Biologii Molekularnej

Badanie FISH	Sonda
Rearanżacja genu BCL2	Fluorescencyjna hybrydyzacja <i>in situ</i>
Rearanżacja genu BCL6	
Rearanżacja genu MYC	
Rearanżacja genu MALT1	
Rearanżacja genu SS18	
Rearanżacja genu FOXF1	
Rearanżacja genu DDIT3	
Rearanżacja genu EWSR1	
Rearanżacja genu CCND1	
Amplifikacja genu HER-2	
Amplifikacja genu MDM2	
Fuzja genów IGH/CCND1	
Fuzja genów COL1A1/PDGFB	
Kodelecja 1p/19q	
Genotypowanie	Metoda
Detekcja wirusa HPV (wykrywane typy onkogenne: 16, 18, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66, 68)	PCR w czasie rzeczywistym (test CE IVD)
Analiza mutacji w genach	Metoda
Analiza mutacji w eksonach 2, 3 i 4 genu KRAS (kodony 12, 13, 59, 61, 117 i 146)	PCR w czasie rzeczywistym (test CE IVD)
Analiza mutacji w kodonie 600 genu BRAF	
Analiza mutacji w eksonach 2, 3 i 4 genu NRAS (kodony 12, 13, 59, 61, 117 i 146) oraz w kodonie 600 genu BRAF	
Analiza mutacji w eksonach 2, 3 i 4 genów KRAS i NRAS (kodony 12, 13, 59, 61, 117 i 146) oraz w kodonie 600 genu BRAF	
Badanie niestabilności mikrosatelitarnej	PCR z analizą topnienia w wysokiej rozdzielczości
Analiza mutacji w eksonach 9, 11, 13 i 17 genu KIT	
Analiza mutacji w eksonach 12, 14 i 18 genu PDGFRA	

Analiza mutacji w eksonach 9, 11, 13 i 17 genu KIT oraz w eksonach 12, 14 i 18 genu PDGFRA	Sekwencjonowanie DNA
Analiza mutacji Asp842Val w genie PDGFRA	
Analiza mutacji Asp842Val w genie PIK3CA (kodony 420, 542, 545, 546, 1047)	
Analiza mutacji w genie IDH1 (kodon 132)	
Analiza mutacji w genie IDH1 (kodon 132) i IDH2 (kodon 172)	
Analiza mutacji w genie POLE – ekson 9 (P286R, M295R, S297F), ekson 11 (F367S, D368Y), ekson 13 (V411L, L424I, P436R, M444K), ekson 14 (A456P, S459F)	